



УДК 577.2:577.3

<http://dx.doi.org/10.15407/dopovidi2016.05.101>

Е. А. Гребнева

Донецкий физико-технический институт им. А. А. Галкина НАН Украины, Киев
E-mail: grebneva@gmail.com

**Полимеразно-таутомерная модель механизма
образования мишенных задерживающих мутаций
замены оснований при синтезе ДНК, содержащей
цис-син циклобутановые тиминовые димеры**

(Представлено членом-корреспондентом НАН Украины В. Н. Варюхиным)

Впервые предложен механизм образования мишенных задерживающих мутаций замены оснований, вызванных цис-син циклобутановыми тиминовыми димерами. Мишенные задерживающие мутации — это мутации, которые могут появляться напротив повреждений ДНК, способных останавливать синтез ДНК, через несколько циклов репликации после воздействия мутагена. Структурный анализ встраивания оснований показал, что напротив редкой таутомерной формы тимины T_3^* можно встроить аденин, но можно встроить и любое другое каноническое основание так, чтобы между ними образовались водородные связи. Если синтез ДНК, содержащей цис-син циклобутановый тиминовый димер TT_3^* , осуществляется с помощью ДНК-полимераз со сравнительно высокой точностью синтеза, мутации не появятся. Но, если в дальнейшем в синтезе ДНК будут участвовать ДНК-полимеразы, обладающие низкой точностью синтеза, могут появиться мутации замены оснований. Причем такие мутации могут образоваться через много циклов репликации после повреждения ДНК. Следовательно, это задерживающие мутации. Таким образом, полимеразно-таутомерная модель ультрафиолетового мутагенеза способна объяснить природу и механизмы образования не только горячих и холодных пятен ультрафиолетового мутагенеза, мишенных и немишенных мутаций замены оснований, мишенных инсерций и делеций, мишенных комплексных мутаций, но и мишенных задерживающих мутаций замены оснований. В рамках полимеразно-таутомерной модели можно понять природу байстендер эффектов и нестабильности генома.

Ключевые слова: УФ-мутагенез, редкие таутомерные формы оснований ДНК, цис-син циклобутановые тиминовые димеры, мишенные задерживающие мутации замены оснований, склонная к ошибкам репликация, SOS-репликация, байстендер эффекты, нестабильность генома.

В результате облучения молекулы ДНК ультрафиолетовым светом образуются циклобутановые пиримидиновые димеры или (6–4)-аддукты. Чаще всего образуются *цис-син* циклобутановые пиримидиновые димеры, в которых ориентация оснований относительно саха-ро-фосфатного острова не изменяется. Они вызывают мишениные мутации замены оснований, мишениные инсерции и делеции, мишениные сложные мутации и мишениные задерживающиеся мутации [1]. Когда мутации образуются напротив циклобутановых пиримидиновых димеров, такой мутагенез называется мишеним. Когда мутации появляются в небольшой окре-стности от димеров, это немишениный мутагенез. Однократное воздействие ультрафиолето-вого света UVA может оказывать влияние в течение нескольких дней после облучения, уси-ливая, таким образом, вредные эффекты воздействия [2]. Задерживающиеся мутации это, обычно, точечные мутации, больше половины из них составляют мутации замены основа-ний [3]. Как показывает эксперимент, повреждения ДНК, приводящие к задерживающимся мутациям, обычно не удаляются. Задерживающиеся мутации могут вносить значительный вклад в генетические заболевания [4].

Нестабильность генома характеризуется резким повышением количества немишениных и задерживающихся мутаций. В настоящее время считается, что немишениные и часть задер-живающихся мутаций появляются на неповрежденных участках ДНК. Не известны молеку-лярные механизмы, лежащие в основе индуцированной геномной нестабильности. В после-дние десятилетия немишениные и задерживающиеся мутации были объединены в байстен-дер эффекты. Радиационно-индуцированными байстендер эффектами называются явления, при которых необлученные клетки приобретают свойства облученных клеток в результате действия сигналов, принятых от соседних облученных клеток [5].

Классическая парадигма радиобиологии основана на концепции, что все эффекты ради-ации на живой материи обусловлены прямым действием излучения. Считается, что неста-бильность генома и байстендер эффекты, включающие немишениные и задерживающиеся мутации, просто не могут быть объяснены на основе прямого повреждения ДНК [6]. Поэто-му предлагается сменить парадигмы радиационной биологии для низких доз радиации [7]. Немишениные эффекты ДНК, такие как байстендер эффекты и задерживающиеся эффе-кты, могут играть важную роль в процессе радиационного канцерогенеза. На этом основа-нии M. Watanabe в 2007 г. высказал идею, что канцерогенез не прямо связан с мутациями, а излучение вызывает рак вследствие повреждения белка. Исследуется гипотеза, что си-гнальные механизмы играют важную роль в геномной нестабильности [8]. Таким образом, в настоящее время не ясен механизм образования задерживающихся мутаций [6, 7].

Общепринятая на сегодня полимеразная парадигма связывает причину возникновения мутаций исключительно со спорадическими ошибками ДНК-полимераз. Автором была ра-зработана альтернативная, полимеразно-таутомерная модель ультрафиолетового мутагене-за [9–15]. Было показано, что при образовании *цис-син* циклобутановых пиримидиновых димеров может изменяться таутомерное состояние входящих в них оснований. Возможно образование пяти новых редких таутомерных состояний тимина и аденина [9] и семи – гуа-нина и цитозина, они устойчивы, когда входят в состав циклобутановых димеров или нахо-дятся в небольших окрестностях от них, а также во время синтеза ДНК [9, 10]. *Цис-син* ци-клобутановые тиминовые димеры TT₁^{*}, TT₄^{*} и TT₅^{*}, содержащие молекулы тимина в редких таутомерных формах, могут вызывать только мишениные мутации замены оснований [10]. *Цис-син* циклобутановые тиминовые димеры TT₂^{*} могут приводить к мишеним мутаци-ям сдвига рамки чтения, инсерциям [11] и делециям [12]. А участок ДНК, содержащий *цис-син* циклобутановые тиминовые димеры TT₂^{*} и TT₁^{*} (или TT₄^{*}, или TT₅^{*}), может при-

водить к мишленным сложным мутациям [13]. В рамках полимеразно-таутомерной модели автором разработаны механизмы образования немишенных мутаций замены оснований. Их источником являются основания ДНК в определенных редких таутомерных формах, находящиеся в небольших окрестностях от циклобутановых димеров [14]. Кроме того, предложен механизм образования горячих и холодных пятен ультрафиолетового мутагенеза [15]. Исследуем, к каким биологическим последствиям могут привести тиминовые димеры TT_3^* с основаниями, находящимися в редкой таутомерной форме T_3^* .

Образование мишленных задерживающих мутаций замены оснований при склонном к ошибкам или SOS-синтезе молекулы ДНК. Если циклобутановые пириимидиновые димеры не будут устраниены в процессах репарации, то они могут приводить к мишленным мутациям при склонной к ошибкам или SOS-репликации, репарации или транскрипции. Мутации образуются, если в синтез ДНК вовлекаются модифицированные или специализированные ДНК-полимеразы [10]. Как показал анализ работы различных ДНК-полимераз, специализированные и модифицированные ДНК-полимеразы встраивают напротив циклобутановых пириимидиновых димеров такие канонические основания, которые могут образовывать с ними водородные связи [10]. То есть ошибочный синтез ДНК осуществляется точно так же, как и безошибочный синтез.

Проведем структурный анализ встраивания канонических оснований напротив тимина в редкой таутомерной форме T_3^* (рис. 1, б). Как видно из рис. 1, в, тимин T_3^* может образовать одну водородную связь с аденином. Но он может образовать две водородные связи с гуанином (см. рис. 1, г), одну водородную связь с цитозином (δ) и одну водородную связь с тимином (e). Рассмотрим участок ДНК (рис. 2, а), одна нить которого содержит один *цис-син* циклобутановый димер TT_3^* , одно основание в котором это канонический тимин, а второе — тимин T_3^* в редкой таутомерной форме (см. рис. 1, б). Поскольку повреждение всего одно, то синтез через повреждение будет идти довольно быстро и с высокой точностью. Следовательно, с высокой вероятностью напротив тимина T_3^* будет встроен аденин (см. рис. 2, б). В этом случае мутации не образуются (см. рис. 2, в). И так может продолжаться много циклов репликации ДНК. Мутации не будут появляться до тех пор, пока ситуация не изменится.

Пусть через некоторое, возможно продолжительное, время недалеко от *цис-син* циклобутанового димера TT_3^* образовался другой, например канонический, циклобутановый димер (рис. 3, а). В этом случае синтез через повреждение с помощью модифицированных или специализированных ДНК-полимераз будет осуществляться с меньшей точностью. Допустим, что в этом случае понизится точность контроля над количеством водородных связей, образующихся между основаниями ДНК. Но сохранится контроль над тем, чтобы образовывались пары оснований пириимидин–пурин. Следовательно, напротив тимина T_3^* , с некоторой вероятностью, может быть встроен гуанин (см. рис. 3, б). В этом случае появится мишленная транзиция $\text{T}-\text{A} \rightarrow \text{C}-\text{G}$ (см. рис. 3, в).

Пусть через некоторое время после облучения ДНК ультрафиолетовым светом недалеко от *цис-син* циклобутанового димера TT_3^* появится много других повреждений, способных останавливать синтез ДНК. Часть из них может быть вызвана, например, свободными радикалами — основной причиной спонтанного мутагенеза. На рис. 4 они обозначены Sp. Другие повреждения ДНК могут быть обусловлены действием каких-то химических веществ, повреждающих ДНК. Хорошо известно, что у лиц с сердечно-сосудистыми и раковыми заболеваниями определяется большое количество тяжелых металлов и других химических веществ. На рис. 4 они обозначены Ch. Как показывает эксперимент, если имеется большое

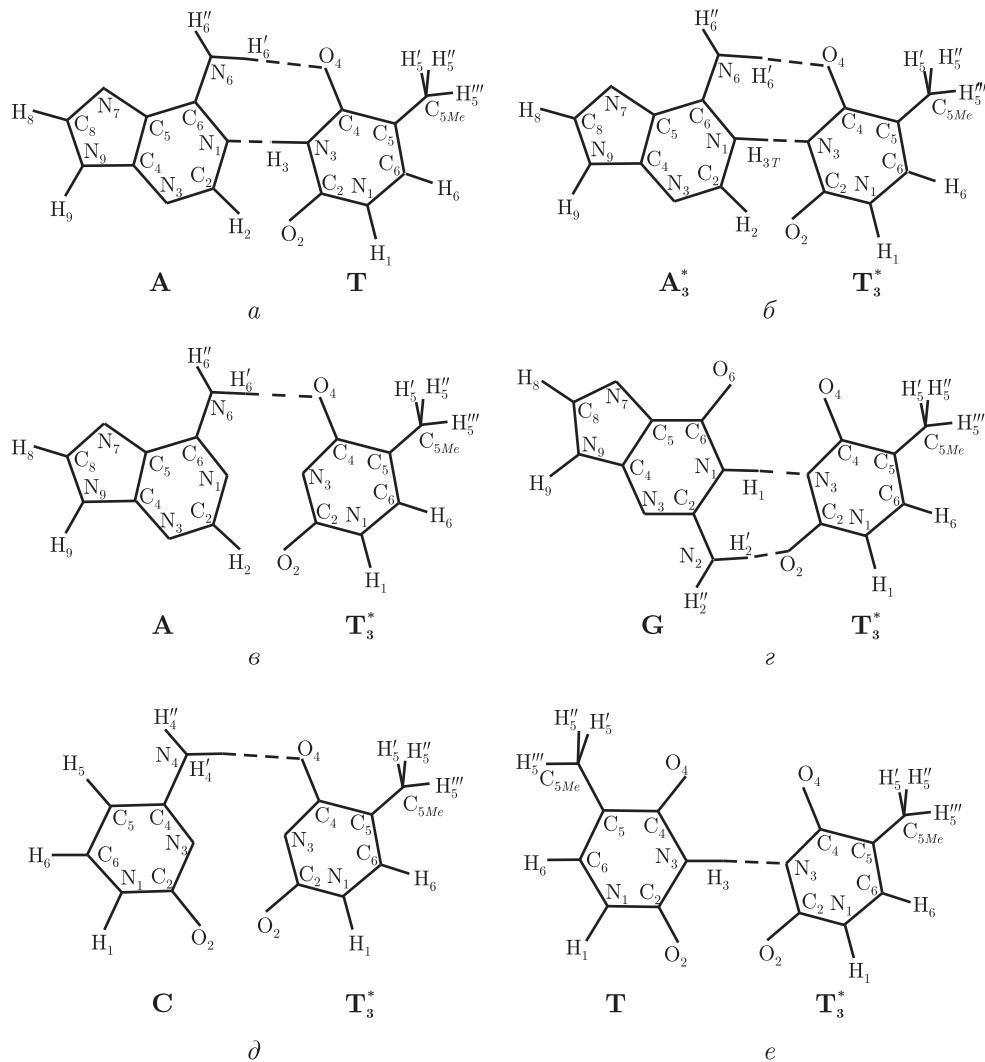


Рис. 1. Редкое таутомерное состояние T_3^* тимина и структурный анализ спаривания T_3^* с каноническими основаниями ДНК. *a* — уотсон-криковская пара аденин — тимин; *b* — редкие таутомерные состояния T_3^* тимина и A_3^* аденина; *в-е* — структурный анализ возможности спаривания тимина T_3^* с каноническими основаниями ДНК: аденином (*в*), гуанином (*г*), цитозином (*д*), тимином (*е*)

количество повреждений ДНК, в синтез через повреждение вовлекаются ДНК-полимеразы с более низкой скоростью и точностью синтеза. В этом случае с большой вероятностью могут образовываться не только транзиции, но и трансверсии. Напротив тимина T_3^* может быть встроен цитозин (см. рис. 4, *б*), в этом случае появится трансверсия $T-A \rightarrow G-C$. Напротив тимина T_3^* может быть встроен тимин (см. рис. 4, *б*), в этом случае появится гомологичная трансверсия $T-A \rightarrow A-T$.

Таким образом, мы видим, что, в частности, источником мишенных задерживающихся мутаций замены оснований являются *цис-син* циклобутановые тиминовые димеры TT_3^* , одно или оба основания которых находятся в таких редких таутомерных формах, которые могут образовывать водородные связи и с аденином, и с другими каноническими основаниями ДНК. Появится или нет задерживающаяся мутация, полностью зависит от соседнего

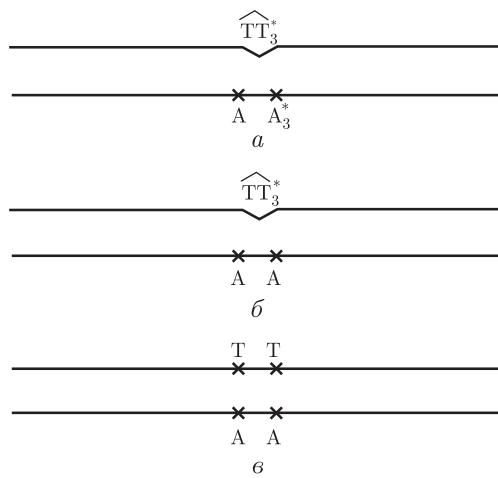


Рис. 2. *Цис-син* циклобутановый тиминовый димер TT_3^* не приводит к появлению мутаций: *a* — участок ДНК, содержащий *цис-син* циклобутановый тиминовый димер TT_3^* ; *б* — напротив тимины T_3^* встраивается аденин; *в* — напротив аденина встраивается тимин, мутация не образуется

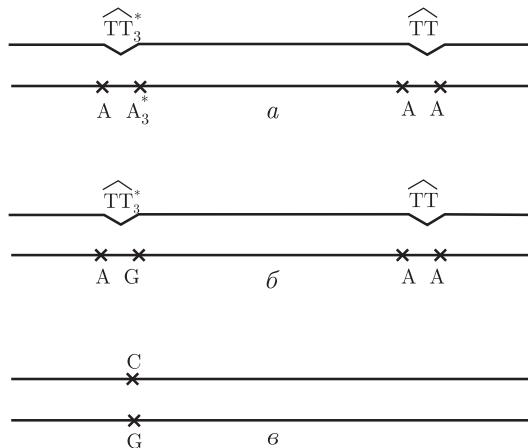


Рис. 3. *Цис-син* циклобутановый тиминовый димер TT_3^* приводит к появлению транзиций $\text{T}-\text{A} \rightarrow \text{C}-\text{G}$: *a* — участок ДНК, содержащий *цис-син* циклобутановые тиминовые димеры TT_3^* и TT ; *б* — напротив тимины T_3^* встраивается гуанин; *в* — напротив гуанина встраивается цитозин, появилась транзиция $\text{T}-\text{A} \rightarrow \text{C}-\text{G}$

окружения. Если рядом других повреждений ДНК нет или их очень мало, то синтез через повреждение будет идти довольно точно и мутации не образуются. Если рядом с *цис-син* циклобутановым тиминовым димером TT_3^* будут находиться другие повреждения, способные останавливать синтез ДНК, то синтез будет осуществляться с помощью других специализированных ДНК-полимераз с более низкой точностью синтеза. В результате могут появиться транзиции $\text{T}-\text{A} \rightarrow \text{C}-\text{G}$. И если рядом с *цис-син* циклобутановым тиминовым димером TT_3^* будет находиться много повреждений, способных останавливать синтез ДНК, то в синтез через повреждение будут вовлечены специализированные ДНК-полимеразы с очень низкой точностью синтеза. В этом случае могут появиться и трансверсии $\text{T}-\text{A} \rightarrow \text{G}-\text{C}$ или $\text{T}-\text{A} \rightarrow \text{A}-\text{T}$.

Как показано автором раньше, *цис-син* циклобутановые тиминовые димеры могут быть пяти типов в зависимости от того, в каких именно редких таутомерных формах находя-

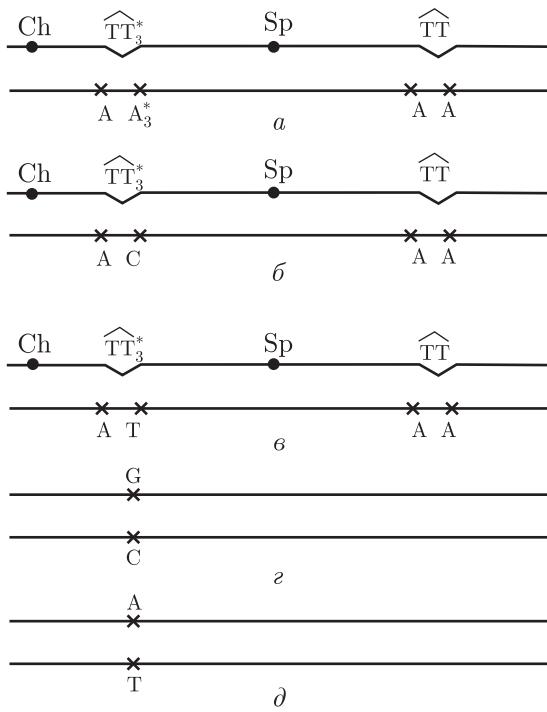


Рис. 4. *Цис-син* циклобутановый тиминовый димер TT_3^* приводит к появлению трансверсии $\text{T}-\text{A} \rightarrow \text{G}-\text{C}$ или трансверсии $\text{T}-\text{A} \rightarrow \text{A}-\text{T}$: *a* — участок ДНК, содержащий *цис-син* циклобутановые тиминовые димеры TT_3^* и TT , а также повреждения *Ch* и *Sp*, способные останавливать синтез ДНК; *б* — напротив тимина T_3^* встраивается цитозин; *в* — напротив тимина T_3^* встраивается тимин; *г* — напротив цитозина встраивается гуанин, образуется трансверсия $\text{T}-\text{A} \rightarrow \text{G}-\text{C}$; *д* — напротив тимина встраивается аденин, образуется гомологичная трансверсия $\text{T}-\text{A} \rightarrow \text{A}-\text{T}$

тся входящие в них основания ДНК. Каждый из этих типов димеров может приводить к определенным типам мутаций. Так, *цис-син* циклобутановые тиминовые TT_1^* , TT_4^* и TT_5^* могут вызывать только мишеньные мутации замены оснований [10]. *Цис-син* циклобутановые тиминовые димеры TT_2^* могут приводить к мишеним мутациям сдвига рамки чтения, инсерциям [11] и делециям [12]. *Цис-син* циклобутановые тиминовые димеры TT_3^* могут вызывать только мишеньные задерживающиеся мутации замены оснований.

В заключение следует отметить, что в настоящее время не ясен механизм образования задерживающихся мутаций. Обычно при его рассмотрении используется полимеразная парадигма мутагенеза. Автором предложена и развивается полимеразно-таутомерная модель ультрафиолетового мутагенеза. Впервые предложен механизм образования мишених задерживающихся мутаций замены оснований, вызванных *цис-син* циклобутановыми тиминовыми димерами. Мишеньные задерживающиеся мутации — это мутации, которые могут появляться через несколько циклов репликации после воздействия мутагена напротив повреждений, способных останавливать синтез ДНК. Они могут быть вызваны, в частности, ультрафиолетовым светом. Ультрафиолетовое облучение может приводить к изменению таутомерных состояний оснований ДНК. Так, тимин может образовывать пять редких таутомерных форм, которые стабильны, если соответствующие нуклеотиды входят в состав циклобутановых димеров. Структурный анализ встраивания оснований показал, что напротив одной редкой таутомерной формы тимина T_3^* можно встроить аденин, но можно встроить и любое другое каноническое основание так, чтобы между ними образовались

водородные связи. Если синтез ДНК, содержащей *цис-син* циклобутановый димер ТТ^{*}, осуществляется с помощью ДНК-полимераз со сравнительно высокой точностью синтеза, мутации не появятся. Но, если в дальнейшем в синтезе ДНК будут участвовать ДНК-полимеразы, обладающие низкой корректорской точностью, могут появиться мутации замены оснований. Причем они могут образоваться через много циклов репликации после повреждения ДНК.

Таким образом, полимеразно-таутомерная модель способна объяснить такие байстендер эффекты, как немишениные мутации замены оснований и мишенине задерживающиеся мутации. Кроме того, она способна объяснить такие явления нестабильности генома, как мишенине мутации замены оснований, мишенине инсерции, мишенине делеции, мишенине сложные и задерживающиеся мутации, немишенине мутации замены оснований и причины образования горячих и холодных пятен ультрафиолетового мутагенеза. Можно сделать вывод, что причиной нестабильности генома является большое количество повреждений ДНК. Эти повреждения не обязательно должны быть мутагенными. Если эти повреждения способны останавливать синтез ДНК, то, следовательно, они могут приводить к синтезу через повреждение и вносить вклад в мутагенез. Таким образом, для объяснения байстендер эффектов и нестабильности генома нет необходимости в смене парадигмы радиационной биологии или генетики. Достаточно всего лишь сменить парадигму в мутагенезе.

Цитированная литература

1. Stamato T. D. EMS and UV-light-induced colony sectoring and delayed mutation in Chinese hamster cells // Int. J. Radiat. Biol. – 1998. – **74**. – P. 739–745.
2. Whiteside J. R., Allinson S. L., McMillan T. J. Timeframes of UVA-induced bystander effects in human keratinocytes // Photochem. Photobiol. – 2011. – **87**. – P. 435–440.
3. Little J. B., Nagasawa H., Pfennig T., Vetrov H. Radiation-induced genomic instability: delayed mutagenic and cytogenetic effects of X rays and alpha particles // Radiat. Res. – 1997. – **148**. – P. 299–307.
4. Okazaki R., Ootsuyama A. P53-dependent delayed effects of radiation vary according to time of irradiation of p53+/- mice // J. Radiat. Res. – 2014. – **55**. – P. 25–31.
5. Lewis D. A., Mayhugh B. M., Qin Y., Trott K., Mendonca M. S. Production of delayed death and neoplastic transformation in CGL1 cells by radiation-induced bystander effects // Radiat. Res. – 2009. – **156**. – P. 251–258.
6. Mothersill C., Moriarty M. J., Seymour C. B. Bystander and other delayed effects and multi-organ involvement and failure following high dose exposure to ionizing radiation // Brit. J. Radiol. – 2005. – Suppl. 27. – P. 128–131.
7. Averbeck D. Non-targeted effects as a paradigm breaking evidence // Mutat. Res. – 2010. – **687**. – P. 7–12.
8. Irons S. L., Serra V., Bowler D., Chapman K., Militi S., Lyng F., Kadhim M. The effect of genetic background and dose on non-targeted effects of radiation // Int. J. Radiat. Biol. – 2012. – **88**. – P. 735–742.
9. Grebneva H. A. Nature and possible mechanisms formation of potential mutations arising at emerging of thymine dimers after irradiation of double-stranded DNA by ultraviolet light // J. Mol. Struct. – 2003. – **645**. – P. 133–143.
10. Grebneva H. A. One of mechanisms of targeted substitution mutations formation at SOS-replication of double-stranded DNA containing *cis-syn* cyclobutane thymine dimers // Environ. Mol. Mutagen. – 2006. – **47**. – P. 733–745.
11. Гребнева Е. А. Механизмы мишенине мутаций сдвига рамки считывания – появление инсерций при склонном к ошибкам или SOS-синтезе молекулы ДНК, содержащей *цис-син* циклобутановые тимиевые димеры // Молекул. биология. – 2014. – **48**. – С. 531–542.
12. Grebneva H. A. A polymerase-tautomeric model for targeted frameshift mutations: deletions formation during error-prone or SOS replication of double-stranded DNA containing *cis-syn* cyclobutane thymine dimers // J. Phot. Mat. Techn. – 2015. – **1**. – P. 19–26.

13. Гребнєва Е. А. Механізми формування мішенних складних інсерцій при синтезі молекули ДНК, що містить цис-син циклобутанові димери // Доп. НАН України – 2015. – № 5. – С. 144–153.
14. Гребнєва Е. А. Три джерела немішенних мутацій заміни оснований, які формуються після облучення молекули ДНК ультрафіолетовим світлом // Доп. НАН України – 2013. – № 1. – С. 143–150.
15. Гребнєва Е. А. Природа та механізми формування горячих та холодних пятен ультрафіолетового мутагенеза // Доп. НАН України – 2012. – № 10. – С. 181–187.

References

1. Stamato T. D. Int. J. Radiat. Biol., 1998, **74**: 739–745.
2. Whiteside J. R., Allinson S. L., McMillan T. J. Photochem. Photobiol., 2011, **87**: 435–440.
3. Little J. B., Nagasawa H., Pfennig T., Vetrov H. Radiat. Res., 1997, **148**: 299–307.
4. Okazaki R., Ootsuyama A. J. Radiat. Res., 2014, **55**: 25–31.
5. Lewis D. A., Mayhugh B. M., Qin Y., Trott K., Mendonca M. S. Radiat. Res., 2009, **156**: 251–258.
6. Mothersill C., Moriarty M. J., Seymour C. B. Brit. J. Radiol., 2005, Suppl. 27: 128–131.
7. Averbeck D. Mutat. Res., 2010, **687**: 7–12.
8. Irons S. L., Serra V., Bowler D., Chapman K., Militi S., Lyng F., Kadhim M. Int. J. Radiat. Biol., 2012, **88**: 735–742.
9. Grebneva H. A. J. Mol. Struct., 2003, **645**: 133–143.
10. Grebneva H. A. Environ. Mol. Mutagen., 2006, **47**: 733–745.
11. Grebneva H. A. Molecular. Biol. (Mosk.), 2014, **48**: 457–467.
12. Grebneva H. A. J. Phot. Mat. Techn., 2015, **1**: 19–26.
13. Grebneva H. A. Dop. NAN Ukraine, 2015, No 5: 144–153 (in Russian).
14. Grebneva H. A. Dop. NAN Ukraine, 2013, No 1: 143–150 (in Russian).
15. Grebneva H. A. Dop. NAN Ukraine, 2012, No 10: 181–187 (in Russian).

Поступило в редакцію 13.10.2015

О. А. Гребнєва

Донецький фізико-технічний інститут ім. О. О. Галкіна НАН України, Київ
E-mail: grebneva@gmail.com

Полімеразно-таутомерна модель механізму утворення мішенних затримних мутацій заміни основ при синтезі ДНК, що містить цис-син циклобутанові тимінові димери

Вперше запропоновано механізм утворення мішенних затримних мутацій заміни основ, виникнення яких можуть з'являтися навпроти пошкодження ДНК, здатних зупиняти синтез ДНК, через кілька циклів реплікації після впливу мутагену. Структурний аналіз вбудовування основ показав, що навпроти рідкісної таутомерної форми тиміну T_3^* можна вбудувати аденин, але можна вбудувати і будь-яку іншу канонічну основу так, щоб між ними утворилися водневі зв'язки. Якщо синтез ДНК, що містить цис-син циклобутановий тиміновий димер TT_3^* , відбувається за допомогою ДНК-полімераз з порівняно високою точністю синтезу, мутації не з'являться. Але, якщо в подальшому в синтезі ДНК братимуть участь ДНК-полімерази, що мають низьку точність синтезу, можуть з'явитися мутації заміни основ. Причому вони можуть утворитися через багато циклів реплікації після пошкодження ДНК. Отже, це затримні мутації. Таким чином, полімеразно-таутомерна

модель ультрафіолетового мутагенезу здатна пояснити природу і механізми утворення не тільки гарячих і холодних плям ультрафіолетового мутагенезу, мішенних і немішенних мутацій заміни основ, мішенних інсерцій і делецій, мішенних комплексних мутацій, але й мішенних затримних мутацій заміни основ. В рамках полімеразно-таутомерної моделі можна зрозуміти природу байстендер ефектів і нестабільноті геному.

Ключові слова: УФ-мутагенез, рідкісні таутомерні форми основ ДНК, цис-син циклобутанові тимінові димери, мішенні затримні мутації заміни основ, схильна до помилок реплікація, SOS-реплікація, байстендер ефекти, нестабільність геному.

H. A. Grebneva

O. O. Galkin Donetsk Institute of Physics and Engineering of the NAS of Ukraine, Kiev

E-mail: grebneva@gmail.com

Polymerase-tautomeric model for the mechanism of formation of targeted delayed substitution mutations under the synthesis of DNA containing *cis-syn* cyclobutane thymine dimers

For the first time, a mechanism of targeted delayed base substitution mutations caused by cis-syn cyclobutane thymine dimers is proposed. Delayed mutations are mutations that may appear in a few cycles of replication after the exposure to a mutagen. Targeted delayed mutations appear opposite to DNA damages that are able to stop the synthesis of DNA. Structural analysis of the insertion of the bases showed that adenine can be incorporated opposite to the rare tautomeric form of thymine T₃^{}. But any other canonical base may be inserted so that hydrogen bonds are formed between them. If, in the synthesis of DNA containing the cis-syn cyclobutane dimer TT₃^{*}, DNA polymerases with relatively high fidelity of synthesis are involved, mutations not appear. However, if the further DNA synthesis will involve DNA polymerases having a low fidelity of synthesis, there may be base substitution mutations. Moreover, they may be formed through many cycles of replication after the damage of DNA. Consequently, these are the delayed mutations. Thus, the polymerase-tautomeric model of ultraviolet mutagenesis is able to explain not only the nature and mechanisms of formation of hot and cold spots under the ultraviolet mutagenesis, targeted and untargeted substitution mutations, targeted deletions and targeted insertions, targeted complex mutations, but also targeted delayed substitution mutations. The nature of bystander effects and the genomic instability can be explained in the framework of the polymerase-tautomeric model as well.*

Keywords: UV-mutagenesis, rare tautomeric forms of DNA bases, cis-syn cyclobutane thymine dimers, delayed substitution mutations, error-prone replication, SOS replication, bystander effects, genomic instability.